

Irodalomjegyzék

Aaron C.E. Darling, Bob Mau, Frederick R. Blatter, and Nicole T. Perna. 2004. Mauve: multiple alignment of conserved genomic sequence with rearrangements. *Genome Research*. 14(7):1394-1403.

Ackermann H. W. 1999. Tailed bacteriophages: the order caudovirales. *Adv. Virus Res.* 51:135-201.

Sulakvelidze A., Alavidze Z., Morris J. G.: Minireview Bacteriophage therapy. *Antimicrobial Agents and Chemotherapy*. 2001. p 649-659.

Forbes B. A., Sahm D. F., Weissfeld A. S. 2007. *Diagnostic Microbiology*. Bailey and Scott's. 178-186.

Courvalin P. 1994. Transfer of antibiotic resistance genes between gram-positive and gram-negative bacteria. *Antimicrob Agents Chemother.* 38 (7): 1447-51.

Duckworth D. H. 1976. Who discovered bacteriophage. *Bacteriological Reviews*. p. 793-802

d'Hérelles F. 1917. "Sur un microbe invisible antagoniste des bacilles dysentériques" (PDF). *Comptes rendus Acad Sci Paris*. 165: 373–5. Archived from the original on 4 December 2010. Retrieved 5 September 2010.

Gergely L. 2003. *Orvosi mikrobiológia*. Alliter. p. 133-146, 286-288

Jonathan File'e, Francoise Te'tart, Curtis A. Suttle, and H. M. Krisch. 2005. Marine T4-type bacteriophages, a ubiquitous component of the dark matter of the biosphere. Proceedings of the National Academy of Sciences. vol. 102. p.12471–12476.

Wommack K. E. és Colwell R. R. 2000. Virioplankton: Viruses in Aquatic Ecosystems. Microbiology and Molecular. Biology Reviews March. vol. 64 no. 1 69-114.

Mann N. H. 2005. The Third Age of Phage. PLoS Biol 3(5): e182.
doi:10.1371/journal.pbio.0030182.

Pesti M. 2001. Általános mikrobiológia. Dialóg Campus. 55-56, 262-263.

McGrath S. and Sinderen D. v. 2007. Bacteriophage: Genetics and Molecular Biology. Caister Academic Press. 1-42.

Bioinformatikai alkalmazások:

1. www.ncbi.nlm.nih.gov
2. <http://asap.genetics.wisc.edu/software/mauve/>

Köszönetnyilvánítás

Elsősorban köszönettel tartozom témavezetőmnek, Dr. Schneider Györgynek a sokévi segítségért és kitartásért, a szakmai tanácsokért és útmutatásért.

Továbbá köszönetet mondok Dr. Maróti Gergelynek (Seqomics kft., Mórahalom), Dr. Kovács Tamásnak (Enviroinvest Zrt., Pécs) és Rákhely Gábornak (Szegedi Tudományegyetem, Biotechnológiai Tanszék) a szekvenálásban és bioinformatikai analízisben nyújtott segítségért, valamint minden segítségért és hasznos tanácsért a PTE, Orvosi Mikrobiológiai és Immunitástani Intézet laboratóriuma munkatársainak, Lajkó Rózsának, Kovács Juditnak, Dorn Ágnesnek és Felső Péternek.

Szeretném megköszönni a lehetőséget, hogy a Pécsi Tudományegyetem Általános Orvostudományi Karának Orvosi Mikrobiológiai és Immunitástani Intézetének laborjában dolgozhattam munkám során.

Rövidítések jegyzéke

AMPS	ammónium perszulfát
ca MRSA	community acquired methicillin rezisztens <i>Staphylococcus aureus</i>
ha MRSA	hospitally acquired methicillin rezisztens <i>Staphylococcus aureus</i> kórházi törzsek
MRKNSA	methicillin rezisztens koaguláz negatív <i>Staphylococcus aureus</i>
MRSA	methicillin rezisztens <i>Staphylococcus aureus</i>
O/N	over night kultúra (egy éjszakás felnövesztésű kultúra)
PTSA	pirogén toxikus szuperantigének
rpm	round per minute (percenkénti fordulatszám)
SE	<i>Staphylococcus enterotoxin</i>
TEMED	N, N, N', N',-Tetramethylethylenediamine
TSST-1	toxikus shock szindróma toxin 1
WHR	wild host range (széles gazdaspecificitás)